

Seguimiento de betalactamasas de espectro extendido en diferentes etapas de la vida productiva del ave



Coppola N1, Cordeiro N1, Trenchi G2, Bado I1, Vignoli R1

¹Departamento de Bacteriología y Virología, Instituto de Higiene, Fac. de Medicina, UdelaR. Av. Alfredo Navarro 3051, CP: 11600. Montevideo, Uruguay.

²Veterinario de libre ejercicio de la profesión, Uruguay.

nadiacoppolafon@gmail.com

Antecedentes

La resistencia antimicrobiana (RAM) está aumentando en todo el mundo a niveles alarmantes. Uruguay, desde el 2011 desarrolla políticas para contener la RAM en salud animal. Pero con la importación de animales vivos existe riesgo de introducir microorganismos multidrogo-resistentes (MDRO) en su microbiota, evadiendo las políticas de reducir la selección de MDRO en nuestros sistemas productivos.

Objetivo

Búsqueda y seguimiento de betalactamasas de espectro extendido (BLEE) en diferentes etapas de la vida productiva del ave.

Materiales y métodos

Muestreo : 1



Primer muestreo pollitos de un día de vida importados de Brasil (2 embarques)



Muestreo: 2

Segundo muestreo a las semana de vida, e establecimientos de Uruguay



Laboratorio





Identificación por pruebas bioquímicas de *E. coli* resistentes a

ANTIBIOGRAMAS ESTRATÉGICOS

TEST DE SINERGIA

PARA BUSQUEDA DE BLEE (β-lactamasas de espectro extendido)

Estudio de sensibilidad antibiótica por el método de disco de difusión de kirby-bauer siguiendo las normas CLSI (tabla 1)

Tabla 1: Antibióticos testeados en los

antibiogramas							
ANTIBIÓTICOS TESTEDOS	ABREVIATURA						
Amoxicilina- ác. Clavulanico	AMC						
Ceftazidime	CAZ						
Ceftriaxona	CRO						
Ciprofloxacina	CIP						
Enrofloxacina	ENR						
Amikacina	AK						
Gentamicina	CN						

Amikacina AK
Gentamicina CN

Búsqueda de genes de resistencia a antibióticos mediante PCR en tiempo final (tabla)

Tabla 2: Genes de resistencia para BLEE.

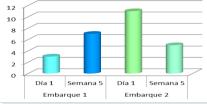
Oxiiminocefalosporinas (β-lactamicos)

 $\begin{array}{c} \textit{bla}_{\text{SHV}} \; \textit{bla}_{\text{TEM}} \; \textit{bla}_{\text{PER}} \\ \textit{bla}_{\text{CTX-M-1}} \; \textit{bla}_{\text{CTX-M-2}} \; \textit{bla}_{\text{CTX-M-3}} \\ \textit{bla}_{\text{CTX-M-4}} \; \textit{bla}_{\text{CTX-M-25}} \end{array}$

Resultados

Trabajamos con 26 *E.coli* resistentes a CRO y productoras de BLEE (figura 1).

Figura 1: E. coli resistentes a CRO

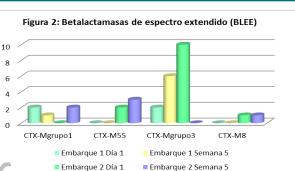


■ Embarque 1 Día 1 ■ Embarque 1 Semana 5 ■ Embarque 2 Día 1 ■ Embarque 2 Semana 5

En el estudio de susceptibilidad a antibióticos se evidencio resistencia a Quinolonas en un 38,5% (10/26) de los aislamientos (tabla 3).

l	Tabla 3: Estudio de susceptibilidad a antibióticos en E. coli aisladas de aves									
I	ANTIBIOTICOS	CIP	ENR	CRO	CAZ	AMC	CN	AK	SXT	
l	% Resistente	38,5	38,5	100	0	0	0	0	0	
1	0/ 0 11 1				400	400	400	400	400	

De las $\it E.coli$ productoras de BLEE, 14/26 fueron aisladas de aves de 1 día y 12/26 de aves de 5 semanas ver figura 2.



Conclusiones

Se evidenció que los genes detectados al día de vida, aún se encuentran presentes a las 5 semanas. Se requieren estudios adicionales para saber si se extienden más en el ciclo productivo y para determinar si los clones o los elementos genéticos que codifican esos genes son los mismos.

